学 位 研 究 紹 介

インタ - ロイキン 6(IL-6)- 373 A9T11 アリルは日本人における慢性歯周炎の感 受性低下および血清 IL-6 レベル低下に 関連する

Interleukin-6 (IL-6)-373 A9T11 allele is associated with reduced susceptibility to chronic periodontitis in Japanese subjects and decreased serum IL-6 level.

新潟大学大学院医歯学総合研究科 口腔生命科学専攻 摂食環境制御学講座 歯周診断・再建学分野 小松 康高

Division of Periodontology,
Department of Oral Biological Science,
Niigata University Graduate School of
Medical and Dental Sciences.
Yasutaka KOMATSU

【目 的】

歯周炎は成人の約80%が罹患する common disease の一つであり,歯を喪失する最たるものである。この事 は,高齢者のQOLの低下を招くことにつながり,現在 の日本における深刻な社会問題 の一つである。歯周炎 は,『慢性炎症の持続』と『骨破壊』を特徴とし,IL-6 は双方の病状に深く関与する重要な分子である。歯周炎 病態形成における IL-6 の関与は明白で,歯周炎患者で の局所(歯肉溝滲出液,歯肉組織)および末梢血中 IL-6濃度の上昇をみる。IL-6の生理活性作用は非常に広 範に及び,制御機構の破綻が慢性関節リウマチ,SLE などの炎症性疾患,自己免疫疾患に深く関与する事が近 年の報告で明らかになりつつある。このような背景から シグナル伝達鎖 gp130 の機能的解析やそのシグナル経 路をブロックする新薬の開発は後をたたず, 多様な生理 活性を有する IL-6 の研究は歯周炎のみならず,非常に 各方面で注目されている。

一方,歯周炎は多因子性疾患であり,遺伝的要因の関与が示唆されており,我々は既に,IL-1ファミリー,TNF,TNFレセプター遺伝子多型について解析を重ねてきた。そこで,今回はIL-6プロモーター領域遺伝

子多型の頻度を検索し,慢性歯周炎との関連性について 検討した。

【材料と方法】

インフォームドコンセントを得た日本人慢性歯周炎患者(CP)112名(うち5年以内の喫煙歴がある者は対象から除外)と年齢マッチした健常者(Non-CP)77名の末梢血よりゲノムDNAを抽出した。被験者グループの基準はmPPD,mCAL 3 mm かつBL<20%を満たすものをNon-CP群,それ以外をCP群とした。IL-6-597,-572,-190,-174 SNPs(一塩基多型)はPCR-RFLP(制限酵素切断断片長多型)法,-373AnTmはPCR-SSCP(一本差DNA高次構造多型)法とダイレクトシークエンス法の併用により遺伝子型を同定し,統計学的解析を行った。また,Non-CP群77名から無作為に34名を抽出し,末梢血を遠心分離して得られた血清中IL-6濃度を高感度ELISA法にて測定し,遺伝子型ごとに解析した。

【結 果】

- ① 今回検索した日本人では-572,-373のみに遺伝子多型を認め,その頻度は白人とは大きく異なっていた。
- ②-572,-373 遺伝子多型は連鎖不平衡にあり(D'=0.98, 2=344.5,p<0.0001),-572/Cと-373/A10T10 および-572/Gと-373/A10T11,A9T11アリル間に強い連鎖が見られた。
- ③-373 A 9 T11 アリル頻度及び保有率は Non-CP 群で CP 群に比較し,有意に高かった(カイ2乗検定, Non-CP 群 vs. CP 群; アリル頻度 11.1% vs. 4.0%, p = 0.008, オッズ比 = 2.96 Table 1, アリル保有率 20.8% vs. 8.0%, p = 0.011, オッズ比 = 3.0)。
- ④血清 IL-6 レベルは-572, -373 のディプロタイプで比較したところ, C[A10T10]/ C[A10T10] 群でC[A10T10]/ G[A10T11], C[A10T10]/ G[A 9 T11] 群に比較して有意に高かった(Wilcoxon signed rank test,順に1.38 ± 0.11, 0.90 ± 0.07, 0.88 ± 0.13 pg/ml,

C [A10T10] / C [A10T10] vs. C [A10T10] / G [A10T11] : p = 0.007, C [A10T10] / C [A10T10] vs.

C[A10T10] / G[A 9 T11] : p = 0.008 Fig 1),

Non-CP subjects CP subjects Position p-value (n = 77)% (n = 112)-572 C/C Genotype frequency 53.2 (41) 63.4 (71)C/G 32.1 0.37 41.6 (32)(36)G/G 5.2 4.5 (5)(4)Allele frequency* С 74.0 (114)79.5 (178)0.22 G 26.0 20.5 (40)(46)-373 Genotype frequency A10T10/A10T10 54.5 (42)64.3 (72)A10T10/A10T11 23.4 24.1 (18)(27)A10T10/A9T11 18.2 8.0 (14)(9)0.14 A10T11/A10T11 1.3 3.6 (1)(4)A10T11/A9T11 1.3 (1)0.0 (0)A9T11/A9T11 0.0 1.3 (1) (0) Allele frequency A10T10 75.3 (116)80.4 (180)A10T11 13.6 0.03 (21)15.6 (35)A9T11 11.1** (17)4.0 (9)

Table 1 Distribution of IL-6 promoter -572 and -373 polymorphisms in Non-CP and CP subjects.

^{**}Significantly higher when compared to CP with Bonferroni's correction (OR = 2.96, 95% CI = 1.21-7.43, 2 = 7.02, p = 0.008).

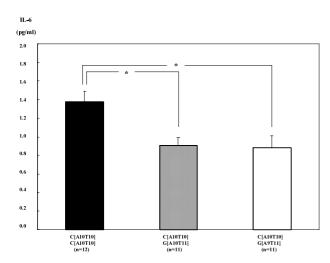


Figure 1 Influences of the common IL - 6-572 and -373 diplotypes on serum IL-6 level in Japanese Non-CP subjects.

Bars represent the mean \pm standard error. *p<0.01

Peripheral blood serum IL – 6 level were determined in duplicate using commercially available Quantikine $^{\text{TM}}$

ELISA kits (R&D) Systems, Wiesbaden-Nordenstadt, Germany) according to the manufacture's instructions.

The sensitivity of the assay was 0.039 pg/ml.

【考 察】

Case-control study では遺伝子多型の人種差や研究デ ザインなどの違いにより, しばしば矛盾した結果が導き 出される事がある。しかし、今回有意差の認められた、 -373 A 9 T11 アリルは比較的人種差が少なかったため, 共通の genetic factor となる可能性があると思われた。 また,遺伝子多型の機能解析の一つとして,血清 IL-6 レベルへの影響を可能な限り修飾因子(歯周炎,年齢, 性,エストロゲン)を除外して検討した結果,-373 A 9 T11 アリルが血清レベルの低下に関連した。よって, -373 A 9 T11 アリルが転写活性に影響し, IL-6 産生 の低下に関連している可能性が示唆された。以上のよう に,統計学的および in-vivo での機能解析により, IL-6-373 A 9 T11 アリルが日本人における慢性歯周炎の 抵抗性ならびに血清 IL-6 レベルの低下に関連する事が 示唆された。しかしながら,一つのプロモーター領域遺 伝子多型のみで転写活性は制御されるものではなく,今 後ハプロタイプを考慮した in-vitro での機能解析の必要 性があると思われる。

【参考文献】

Y Komatsu, H Tai, JC Galicia, Y Shimada, M Endo, K Akazawa, K Yamazaki and H Yoshie. Interleukin – 6 (IL- 6) -373 A 9 T11 allele is associated with reduced susceptibility to chronic periodontitis in Japanese subjects and decreased serum IL- 6 level. Tissue Antigens 2005: 65; 110-114.

^{*}Total number of alleles: Non-CP 2n = 154, CP = 224